

Код та назва дисципліни	<b>2-162-6_Метагеномний аналіз в біотехнології</b>
Рекомендується для галузі знань (спеціальності, освітньої програми)	для усіх спеціальностей галузей знань: 09, 10, 12, 16, 20, 21, 22
Кафедра (зазначати повну назву кафедри)	БМБ
П.І.П. НПП (за можливості)	
Рівень ВО	другий (магістерський) рівень
КУРС, семестр (в якому буде викладатись)	курс: будь-який, семестр: будь-який
Мова викладання	українська
Пререквізити (передумови вивчення дисципліни)	знання з «Молекулярна біологія», «Загальна мікробіологія і вірусологія» дисциплін
Що буде вивчатися	сукупність геномів мікроорганізмів докілья методами молекулярної генетики та інших галузей біологічної науки (біоінформатика, протеоміка, метаболоміка)
Чому це цікаво/треба вивчати	метагеномний аналіз дає можливість реконструювати мікробні угруповання, у тому числі некультивованих мікроорганізмів, практично будь-яких екосистем, визначити їхні функції, взаємини з макроорганізмами тощо. У найближчі роки ключовим у метагеноміці буде пошук нових генів для біотехнологічної та фармацевтичної промисловості
Чого можна навчатися (результати навчання)	основним прийомам матеганомного аналізу різних угруповань
Як можна користуватися набутими знаннями і вміннями (компетентність)	застосовувати метагеномний аналіз для характеристики різних екосистем, здійснювати пошук генів для біотехнологічної та фармацевтичної промисловості
Інформаційне забезпечення	лекції, методичні вказівки до виконання практичних робіт і організації самостійної роботи, електронні ресурси
Види навчальних занять (лекції, практичні, семінарські, лабораторні заняття тощо)	лекції, практичні
Вид семестрового контролю	диференційований залік
Максимальна кількість здобувачів на семестр	необмежена
Мінімальна кількість здобувачів <sup>5</sup> (тільки для мовних, творчих дисциплін, за необхідності)	–

Т.в.о. декана факультету \_\_\_\_\_ Тетяна ШАРАМОК